

Probe Set ID	Gene Title	W/kg	weiblich adult			weiblich juvenil			männlich adult			männlich juvenil														
			0,2	2	5	0,2	2	5	0,2	2	5	0,2	2	5	0,2	2	5									
			1 Stunde			48 Stunden			1 Stunde			48 Stunden			1 Stunde			48 Stunden								
202813_at	Tar (HIV-1) RNA binding protein 1 chemokine (C-X-C motif) ligand 1 (melanoma growth stimulating activity, alpha)	TARBP1	1,02	-1,01	1,10	-1,05	-1,40	-1,63	1,05	1,16	-1,13	-1,04	-1,21	-1,49	1,13	1,14	1,13	1,02	-1,25	-1,62	1,03	1,02	1,01	1,07	-1,16	-1,53
204470_at	WD repeat domain, phosphoinositide interacting 1	WIPI1	1,08	1,11	1,23	-1,14	-1,76	-2,05	1,12	1,09	-1,01	-1,04	-1,28	-1,65	1,24	1,28	1,19	-1,02	-1,36	-2,12	1,04	-1,10	-1,00	1,07	-1,34	-1,75
239163_at	ubiquitin-conjugating enzyme E2B (RAD6 homolog)	UBE2B	1,20	1,44	1,77	-1,03	1,11	1,00	1,16	1,34	1,17	1,01	1,18	1,24	1,03	-1,02	1,07	1,06	-1,04	-1,01	1,11	1,36	1,56	1,18	-1,01	1,11
205466_s_at	heparan sulfate (glucosamine) 3-O-sulfotransferase 1	HS3ST1	-1,03	-1,03	-1,03	1,19	-1,02	-1,43	-1,34	-2,19	-2,72	-1,14	-1,36	-1,40	1,46	-1,02	-1,35	-1,16	1,02	-1,24	-1,69	-1,33	-1,62	-1,21	1,11	-1,66
1557036_at	Zinc finger and BTB domain containing 1	ZBTB1	1,11	-1,14	-1,07	-1,03	1,24	1,06	-1,31	-1,54	-1,16	1,12	1,26	1,28	1,07	-1,02	1,05	1,06	1,08	1,03	-1,06	1,05	-1,08	1,18	1,09	1,17
224979_s_at	ubiquitin specific peptidase 36	USP36	1,23	1,18	1,71	-1,17	-1,14	-1,29	-1,01	1,35	-1,03	-1,07	-1,17	-1,09	1,25	1,13	1,05	-1,20	-1,55	-1,29	1,26	1,19	1,25	1,02	-1,09	-1,31
209458_x_at	hemoglobin, alpha 1 / hemoglobin, alpha 2	HBA1 / 2	1,01	1,09	1,14	-1,13	-1,47	-1,54	1,05	1,27	1,09	1,04	-1,08	-1,17	-1,06	1,04	-1,03	1,02	-1,56	-1,22	1,01	-1,03	-1,02	-1,02	-1,21	-1,62
39248_at	aquaporin 3 (Gill blood group)	AQP3	-1,01	1,03	-1,10	1,02	1,05	1,23	-1,03	-1,06	-1,07	1,07	1,23	1,27	1,07	1,06	1,00	1,08	1,05	1,50	-1,14	-1,16	-1,09	1,03	1,10	1,35
236436_at	solute carrier family 25, member 45	SLC25A45	1,13	1,05	1,07	-1,24	-1,39	-1,76	-1,07	1,02	-1,12	-1,09	-1,46	-1,49	1,02	-1,06	1,02	1,10	-1,10	-1,44	-1,20	-1,37	-1,23	-1,09	-1,31	-1,79
212737_at	GM2 ganglioside activator	GM2A	-1,07	-1,04	1,13	1,00	-1,10	-1,42	1,06	1,06	1,02	-1,15	-1,32	-1,50	1,07	1,07	1,06	-1,25	-1,37	-1,72	1,10	1,13	1,20	-1,16	-1,07	-1,43
205633_s_at	aminolevulinatase, 5-, synthase 1	ALAS1	1,10	1,22	1,69	1,02	1,01	1,11	1,25	1,06	1,43	1,02	1,02	1,10	1,14	1,19	1,12	-1,05	-1,04	1,02	1,27	1,46	1,54	-1,02	1,34	1,19
215001_s_at	glutamate-ammonia ligase (glutamine synthetase)	GLUL	1,03	1,00	-1,04	1,06	-1,12	-1,32	-1,05	1,07	-1,19	-1,05	-1,32	-1,29	1,01	-1,02	1,09	-1,12	-1,10	-1,32	1,06	-1,02	-1,03	-1,34	-1,12	-1,71
202068_s_at	low density lipoprotein receptor (familial hypercholesterole-mia)	LDLR	1,26	1,54	1,48	-1,03	1,06	1,52	1,01	1,24	-1,12	1,03	1,17	1,50	1,26	1,28	1,26	-1,09	1,06	1,59	1,16	1,19	1,43	1,10	1,20	1,72
203158_s_at	glutaminase	GLS	-1,13	-1,24	1,13	1,05	1,28	1,49	-1,04	-1,19	1,10	1,05	1,17	1,57	-1,19	-1,15	-1,07	1,08	-1,03	1,39	-1,01	1,11	1,06	1,18	1,26	1,51
36907_at	mevalonate kinase (mevalonic aciduria)	MVK	1,24	1,52	1,29	1,17	-1,05	1,19	-1,02	1,24	1,14	1,02	-1,11	1,08	-1,10	1,06	-1,09	1,01	1,25	1,22	-1,09	-1,16	-1,10	-1,46	-1,09	-1,06
240960_at	Moesin	MSN	1,11	1,36	1,60	1,04	1,16	1,04	-1,30	1,00	-1,27	1,12	1,18	1,06	1,13	1,04	1,22	1,02	-1,15	1,02	1,09	1,35	1,39	1,26	-1,05	1,01
230808_at	farnesyltransferase, CAAX box, alpha	FNTA	1,18	-1,01	1,05	-1,03	-1,14	-1,18	-1,38	-1,66	-1,13	1,04	1,14	1,10	-1,25	-1,29	-1,20	1,13	1,07	1,04	-1,11	-1,11	-1,20	-1,13	-1,21	-1,27

Farbig markiert: FC > 1.5; FC < -1.5. Fett umrandet: signifikant regulierte Gene.
Gene mit mehr als einem Probeset auf dem Array, die signifikant reguliert sind, sind grau markiert.

Probe Set ID	Gene Title	Gensymbol	weiblich adult			weiblich juvenil			männlich adult			männlich juvenil														
			0,2	2	5	0,2	2	5	0,2	2	5	0,2	2	5	0,2	2	5									
			1 Stunde			48 Stunden			1 Stunde			48 Stunden			1 Stunde			48 Stunden								
213446_s_at	IQ motif containing GTPase activating protein 1	IQGAP1	-1,21	-1,14	1,11	-1,10	-1,02	1,01	-1,45	-1,70	-1,27	-1,04	-1,07	-1,08	-1,13	-1,20	-1,10	1,03	-1,16	-1,08	-1,00	1,03	1,02	1,06	1,14	1,08
221833_at	Lon peptidase 2, peroxisomal	LONP2	1,02	-1,07	-1,11	-1,26	-1,22	-1,71	-1,04	-1,01	-1,14	-1,13	-1,13	-1,38	1,07	-1,10	1,07	-1,08	-1,47	-1,89	-1,15	-1,23	-1,16	1,09	-1,34	-1,40
201360_at	cystatin C (amyloid angiopathy and cerebral hemorrhage)	CST3	-1,10	-1,04	1,16	1,00	1,43	1,76	1,06	1,06	-1,01	-1,03	-1,00	1,12	1,03	1,01	1,13	-1,04	1,05	1,15	1,08	1,04	1,11	-1,02	1,02	1,27
206134_at	ADAM-like, decysin 1	ADAMDEC1	0,66	-0,63	0,72	1,83	1,05	-1,68	-1,08	-1,06	-1,08	1,16	-2,52	-2,29	0,66	-0,64	0,74	1,03	-1,01	-1,45	1,03	-0,98	1,12	-1,31	1,14	-2,08
203936_s_at	matrix metalloproteinase 9 (gelatinase B)	MMP9	1,03	1,22	1,03	1,36	-1,36	-2,10	1,11	-1,09	1,01	1,06	-1,90	-1,80	1,27	1,51	1,33	-1,18	-1,24	-1,50	-1,18	-1,20	-1,27	-1,25	1,45	-1,59
211571_s_at	chondroitin sulfate proteoglycan 2 (versican)	CSPG2	-1,40	-1,47	-1,21	1,93	1,33	2,03	-1,19	-1,26	-1,31	1,08	-1,00	1,03	-1,07	-1,27	1,09	-1,07	-1,17	1,81	-1,14	-1,12	-1,01	1,03	1,11	1,70
201666_at	TIMP metalloproteinase inhibitor 1	TIMP1	-1,34	-1,32	-1,55	1,18	1,58	1,63	-1,20	-1,28	-1,09	-1,03	1,05	1,14	1,02	1,05	1,05	-1,05	1,16	1,30	-1,01	-1,34	-1,22	-1,16	-1,03	1,25
1557810_at	Chaperonin containing TCP1, subunit 5 (epsilon)	CCT5	1,34	1,66	1,84	1,20	1,14	1,26	1,37	1,66	1,44	1,27	1,23	1,33	1,04	1,13	1,29	1,07	-1,01	1,24	1,22	1,64	1,87	1,00	-1,07	1,12
200910_at	chaperonin containing TCP1, subunit 3 (gamma)	CCT3	1,35	1,63	1,80	1,00	1,04	1,21	1,10	1,36	1,03	1,03	1,13	1,22	1,37	1,45	1,34	-1,10	-1,01	1,21	1,36	1,64	1,66	1,02	1,14	1,36
200877_at	chaperonin containing TCP1, subunit 4 (delta)	CCT4	1,27	1,45	1,52	1,07	1,05	1,18	1,19	1,35	1,10	1,05	1,10	1,13	1,17	1,30	1,23	-1,05	-1,01	1,15	1,29	1,43	1,51	-1,01	1,08	1,15
204039_at	CCAAT/enhancer binding protein (C/EBP), alpha	CEBPA	-1,09	1,29	1,06	-1,07	1,50	1,68	1,07	1,11	1,20	-1,02	1,22	1,22	1,18	1,06	1,02	-1,11	-1,06	1,00	-1,17	-1,13	1,03	1,05	1,29	1,46
225115_at	Homeodomain interacting protein kinase 2	HIPK2	-1,30	-1,37	-1,25	-1,03	1,00	-1,14	-1,79	-1,92	-1,18	-1,15	-1,10	-1,13	1,01	-1,21	1,00	1,07	-1,09	-1,06	-1,18	-1,12	-1,21	-1,01	-1,16	-1,17
242403_at	Ubiquitin-conjugating enzyme E2D 3	UBE2D3	1,21	1,39	1,54	1,02	1,08	1,08	1,26	1,59	1,29	1,11	1,24	1,14	1,11	1,16	1,31	-1,03	-1,08	-1,08	1,20	1,52	1,62	1,20	-1,02	1,09
202191_s_at	growth arrest-specific 7	GAS7	1,20	1,16	1,30	1,02	-1,08	-1,30	-1,18	-1,13	-1,26	-1,09	-1,22	-1,39	1,22	-1,05	1,04	1,01	-1,08	-1,32	-1,06	-1,04	1,05	-1,29	-1,40	-1,67
203087_s_at	kinesin heavy chain member 2A	KIF2A	1,06	1,04	-1,03	1,18	1,18	1,44	1,00	-1,08	1,08	1,03	1,13	1,34	1,07	1,03	1,04	1,04	1,09	1,52	1,05	1,14	1,06	1,05	1,16	1,34
204170_s_at	CDC28 protein kinase regulatory subunit 2	CKS2	1,42	1,55	1,85	-1,36	-1,42	-1,24	1,29	1,69	1,22	1,37	1,43	1,59	1,10	1,23	1,45	-1,57	-1,46	1,05	1,51	1,74	1,97	-1,15	1,26	1,23
230180_at	DEAD (Asp-Glu-Ala-Asp) box polypeptide 17	DDX17	-1,01	-1,02	1,20	-1,01	-1,02	-1,03	-2,03	-2,78	-1,40	1,07	1,05	1,04	-1,14	-1,11	-1,12	1,10	-1,01	1,02	-1,27	-1,26	-1,36	1,07	1,00	-1,05
235811_at	Muscleblind-like (Drosophila)	MBNL1	-1,04	-1,16	-1,12	-1,28	-1,16	-1,23	-1,92	-2,06	-1,35	-1,07	1,03	1,04	-1,07	-1,14	-1,02	1,09	-1,11	-1,10	-1,39	-1,41	-1,35	1,15	-1,05	-1,14

Farbig markiert: FC > 1.5; FC < -1.5. Fett umrandet: signifikant regulierte Gene.
Gene mit mehr als einem Probeset auf dem Array, die signifikant reguliert sind, sind grau markiert.

Probe Set ID	Gene Title	Gensymbol	weiblich adult			weiblich juvenil			männlich adult			männlich juvenil														
			0,2	2	5	0,2	2	5	0,2	2	5	0,2	2	5	0,2	2	5									
			1 Stunde			48 Stunden			1 Stunde			48 Stunden			1 Stunde			48 Stunden								
236699_at	Muscleblind-like 2 (Drosophila)	MBNL2	1,28	1,34	1,62	-1,12	1,02	1,10	-1,09	1,35	1,09	-1,02	1,13	1,01	1,25	1,07	1,36	-1,00	-1,04	-1,02	1,03	1,30	1,58	1,04	-1,08	1,10
238825_at	acidic repeat containing	ACRC	-1,06	-1,15	-1,08	-1,11	1,15	1,31	-1,14	-1,12	1,02	1,13	1,47	1,67	1,09	1,15	1,24	1,04	1,12	1,42	1,04	1,10	1,09	1,14	1,17	1,52
210139_s_at	peripheral myelin protein 22	PMP22	-1,02	1,12	1,05	1,23	1,18	-1,34	1,02	-1,02	1,02	-1,11	-1,72	-1,55	0,96	0,96	0,92	-1,24	-1,21	-1,71	-1,23	1,19	-1,15	-1,33	1,10	-2,34
224919_at	mitochondrial ribosomal protein S6	MRPS6	1,20	1,33	1,39	-1,04	1,16	1,60	1,11	1,16	1,24	-1,03	1,14	1,45	1,07	1,12	-1,04	-1,02	1,09	1,70	1,09	1,39	1,27	1,00	1,13	1,63
201636_at	fragile X mental retardation, autosomal homolog 1	FXR1	1,21	1,48	1,57	-1,01	1,12	1,25	1,06	1,34	1,04	1,01	1,17	1,19	1,34	1,32	1,37	1,01	1,10	1,18	1,19	1,53	1,68	1,15	1,21	1,41
214196_s_at	tripeptidyl peptidase I	TPP1	1,20	1,35	1,67	1,00	1,30	1,25	1,04	1,23	1,09	-1,02	1,03	1,13	-1,00	1,08	1,08	1,03	-1,08	1,06	1,22	1,44	1,44	1,14	1,08	1,19
227740_at	U2AF homology motif (UHM) kinase 1	UHMK1	-1,10	-1,16	-1,02	1,01	1,07	-1,04	-1,43	-1,60	-1,30	1,02	1,12	1,02	1,00	-1,10	1,00	1,03	-1,17	-1,05	-1,11	-1,09	-1,08	1,08	1,03	1,06
212723_at	phosphatidylserine receptor	PTDSR	1,27	1,41	1,57	-1,13	-1,07	1,07	1,23	1,48	1,09	1,17	1,20	1,38	1,17	1,18	1,26	-1,12	-1,06	1,12	1,38	1,35	1,51	-1,16	1,08	1,15
226517_at	branched chain aminotransferase 1, cytosolic	BCAT1	-1,05	-1,12	-1,22	-1,19	-1,46	-1,93	-1,02	-1,09	1,06	-1,22	-1,51	-1,46	-1,18	-1,18	-1,26	-1,38	-1,60	-2,44	1,20	1,12	1,09	-1,28	-1,32	-1,54
202971_s_at	dual-specificity tyrosine-(Y)-phosphorylation regulated kinase 2	DYRK2	-1,17	-1,32	-1,31	-1,03	1,07	-1,10	-1,46	-1,60	-1,18	-1,02	1,07	1,05	1,07	-1,00	1,05	-1,03	-1,08	-1,07	-1,24	-1,25	-1,18	1,10	1,03	1,04
210691_s_at	calcyclin binding protein	CACYBP	2,37	2,89	2,80	1,11	-1,09	1,19	1,14	1,48	-1,14	1,17	1,20	1,51	1,51	1,71	1,84	-1,24	-1,03	1,43	1,24	1,87	2,07	1,05	1,45	1,64
222330_at	Phosphodiesterase 3B, cGMP-inhibited	PDE3B	1,12	1,06	-1,04	-1,03	-1,10	-1,15	-1,37	-1,84	-1,25	-1,02	1,09	-1,02	-1,14	-1,25	-1,18	1,14	1,10	-1,07	-1,26	-1,21	-1,19	1,12	-1,02	1,03
207700_s_at	nuclear receptor coactivator 3	NCOA3	-1,22	-1,40	-1,23	1,02	1,09	-1,03	-1,56	-1,94	-1,21	-1,02	1,05	1,00	-1,06	-1,10	-1,09	-1,01	-1,04	1,03	-1,34	-1,18	-1,28	1,07	-1,02	1,13
217911_s_at	BCL2-associated athanogene 3	BAG3	1,84	1,92	2,66	-1,33	-1,70	-1,67	1,52	1,94	1,28	1,40	1,19	1,38	1,25	1,22	1,28	-1,70	-1,75	-1,18	1,71	1,83	2,13	-1,16	1,57	1,21
225191_at	cold inducible RNA binding protein	CIRBP	-1,10	-1,47	-1,35	-1,08	-1,13	-1,57	-1,18	-1,37	-1,14	1,01	-1,13	-1,35	-1,09	-1,20	-1,19	1,02	-1,22	-1,68	-1,09	-1,29	-1,37	1,08	-1,21	-1,50
208319_s_at	RNA binding motif (RNP1, RRM) protein 3	RBM3	1,23	1,20	-1,02	-1,05	-1,46	-1,77	1,08	1,05	-1,07	-1,04	-1,59	-1,80	-1,01	-1,07	-1,07	-1,07	-1,12	-1,74	1,12	1,01	-1,06	-1,17	-1,30	-2,06
201491_at	AHA1, activator of heat shock 90kDa protein ATPase homolog 1 (yeast)	AHSA1	1,52	1,61	1,96	1,02	1,09	1,23	1,16	1,28	1,09	1,12	1,25	1,43	1,28	1,50	1,44	-1,18	-1,04	1,32	1,40	1,40	1,70	-1,07	1,28	1,42
200881_s_at	DnaJ (Hsp40) homolog, subfamily A, member 1	DNAJA1	1,42	1,65	1,82	1,01	1,10	1,22	1,44	1,71	1,32	1,15	1,26	1,36	1,26	1,37	1,49	-1,13	-1,08	1,28	1,48	1,65	1,85	1,04	1,30	1,47

Farbig markiert: FC > 1.5; FC < -1.5. Fett umrandet: signifikant regulierte Gene.
Gene mit mehr als einem Probeset auf dem Array, die signifikant reguliert sind, sind grau markiert.

Probe Set ID	Gene Title	W/kg	weiblich adult			weiblich juvenil			männlich adult			männlich juvenil														
			0,2	2	5	0,2	2	5	0,2	2	5	0,2	2	5	0,2	2	5									
			1 Stunde			48 Stunden			1 Stunde			48 Stunden			1 Stunde			48 Stunden								
225061_at	DnaJ (Hsp40) homolog, subfamily A, member 4	DNAJA4	1,97	2,42	2,72	-1,08	1,01	1,05	1,41	1,77	1,22	1,43	1,44	1,58	1,23	1,29	1,14	-1,59	-1,60	-1,06	1,62	2,35	2,56	1,02	1,63	1,70
200666_s_at	DnaJ (Hsp40) homolog, subfamily B, member 1	DNAJB1	1,66	1,89	2,24	-1,07	-1,03	1,12	1,59	1,95	1,36	1,24	1,27	1,44	1,32	1,36	1,36	-1,38	-1,26	1,13	1,60	1,67	1,87	-1,01	1,44	1,48
203810_at	DnaJ (Hsp40) homolog, subfamily B, member 4	DNAJB4	1,68	2,04	2,36	1,03	1,29	1,40	1,23	1,75	1,19	1,23	1,30	1,59	1,18	1,24	1,54	-1,36	-1,19	1,07	1,62	2,15	2,35	1,13	1,47	1,48
208810_at	DnaJ (Hsp40) homolog, subfamily B, member 6	DNAJB6	1,59	2,02	1,76	1,17	1,05	1,22	1,19	1,58	1,08	1,14	1,16	1,23	1,21	1,23	1,13	1,07	1,26	1,31	1,27	1,63	1,68	-1,05	1,12	1,23
211968_s_at	heat shock protein 90kDa alpha (cytosolic), class A member 1	HSP90AA1	1,54	1,66	2,21	-1,24	-1,20	1,06	1,39	1,57	1,27	1,20	1,30	1,54	1,17	1,21	1,24	-1,09	-1,14	1,42	1,44	1,61	1,74	1,12	1,40	1,56
200799_at	heat shock 70kDa protein 1A	HSPA1A	1,37	1,40	1,92	-1,18	-1,06	1,04	1,61	1,77	1,55	1,21	1,24	1,49	1,09	1,14	1,21	-1,25	-1,07	1,31	1,35	1,39	1,55	-1,18	1,16	1,39
201841_s_at	heat shock 27kDa protein 1	HSPB1	2,17	2,60	3,27	-1,29	-1,04	1,22	1,24	1,65	1,25	1,32	1,54	1,79	1,11	1,36	1,12	-1,45	-1,22	1,38	1,40	2,17	2,12	1,04	1,89	2,30
206976_s_at	heat shock 105kDa/110kDa protein 1	HSPH1	1,48	1,60	2,13	-1,11	1,17	1,29	1,53	1,85	1,48	1,15	1,40	1,55	1,18	1,21	1,22	-1,31	-1,18	1,27	1,53	1,68	1,94	1,08	1,41	1,64
212009_s_at	(Hsp70/Hsp90-organizing protein)	STIP1	1,87	2,50	2,62	1,23	1,30	1,70	1,03	1,14	1,02	1,13	1,21	1,52	1,39	1,90	1,55	-1,07	-1,07	1,59	1,40	1,92	2,03	1,16	1,56	1,73
213330_s_at	(Hsp70/Hsp90-organizing protein)	STIP1	1,57	1,92	2,50	-1,10	1,13	1,33	1,05	1,31	1,02	1,11	1,29	1,50	1,29	1,44	1,29	-1,06	-1,03	1,32	1,38	1,85	2,01	1,12	1,32	1,54
213164_at	solute carrier family 5 (inositol transporters), member 3	SLC5A3	1,29	1,49	1,57	-1,03	1,26	1,72	1,18	1,43	1,38	-1,01	1,28	1,52	1,08	1,07	1,10	-1,01	1,16	1,64	1,21	1,75	1,76	1,00	1,08	1,65
230748_at	solute carrier family 16, member 6 (monocarboxylic acid transporter 7)	SLC16A6	1,01	1,09	-1,01	1,05	-1,16	-1,60	-1,09	1,02	-1,32	1,04	-1,16	-1,71	1,05	1,06	-1,11	1,01	-1,21	-1,81	-1,14	-1,13	-1,23	-1,04	-1,30	-1,84
208003_s_at	nuclear factor of activated T-cells 5, tonicity-responsive	NFAT5	1,02	1,04	1,19	-1,16	-1,20	-1,12	-1,65	-1,85	-1,28	-1,06	-1,02	1,07	1,01	-1,05	-1,02	1,04	-1,08	-1,04	-1,11	1,01	-1,11	1,04	1,00	1,02
220924_s_at	solute carrier family 38, member 2	SLC38A2	-1,04	-1,01	1,04	-1,03	1,27	1,62	-1,04	1,08	1,05	1,05	1,24	1,45	-1,05	1,09	1,10	1,04	1,10	1,61	1,01	1,18	1,18	1,14	1,18	1,64
218197_s_at	oxidation resistance 1	OXR1	-1,04	-1,18	-1,09	1,03	1,04	1,02	-1,30	-1,60	-1,17	1,03	1,08	1,05	1,01	-1,03	-1,04	1,04	-1,00	1,07	-1,10	-1,12	-1,10	-1,04	1,01	1,02
226652_at	ubiquitin specific peptidase 3	USP3	-1,11	-1,23	-1,53	-1,11	-1,01	-1,08	-1,19	-1,28	-1,18	-1,02	1,04	1,04	-1,05	1,02	-1,13	-1,05	-1,09	-1,09	-1,18	-1,32	-1,41	1,02	-1,03	-1,02
226650_at	zinc finger, AN1-type domain 2A	ZFAND2A	1,69	2,07	2,37	-1,29	-1,56	-1,80	1,24	1,75	-1,00	1,09	-1,03	-1,06	1,23	1,35	1,44	-1,66	-1,65	-1,46	1,65	1,96	2,17	-1,02	1,30	1,05
200895_s_at	FK506 binding protein 4, 59kDa	FKBP4	2,20	2,67	3,41	-1,10	1,03	1,27	1,18	1,84	1,08	1,23	1,47	1,61	1,31	1,37	1,13	-1,18	-1,02	1,34	1,60	2,45	2,83	-1,03	1,37	1,62

Farbig markiert: FC > 1.5; FC < -1.5. Fett umrandet: signifikant regulierte Gene.
Gene mit mehr als einem Probeset auf dem Array, die signifikant reguliert sind, sind grau markiert.

Probe Set ID	Gene Title	W/kg	weiblich adult			weiblich juvenil			männlich adult			männlich juvenil														
			0,2	2	5	0,2	2	5	0,2	2	5	0,2	2	5	0,2	2	5									
			1 Stunde			48 Stunden			1 Stunde			48 Stunden			1 Stunde			48 Stunden								
205237_at	ficolin (collagen/fibrinogen domain containing) 1	FCN1	-1,16	-1,08	1,09	1,10	1,21	1,58	-1,00	-1,07	1,04	1,05	-1,08	1,02	-1,06	-1,02	1,03	1,06	1,12	1,16	1,05	1,11	1,15	1,00	1,09	1,14
207072_at	interleukin 18 receptor accessory protein	IL18RAP	-1,10	-1,25	-1,11	-1,06	-1,11	-1,56	1,01	-1,07	-1,02	-1,17	-1,07	-1,34	1,02	-1,04	1,02	-1,06	-1,23	-1,52	-1,07	1,03	-1,05	1,05	-1,13	-1,42
229111_at	Mannan-binding lectin serine peptidase 2	MASP2	-1,15	-1,56	-1,52	-1,25	-1,01	-1,33	-1,13	-1,38	-1,20	-1,12	-1,08	-1,19	-1,06	-1,13	-1,13	-1,02	-1,19	-1,37	-1,07	-1,22	-1,29	1,17	-1,08	-1,13
233011_at	Annexin A1	ANXA1	-1,01	1,39	2,20	-1,13	1,35	1,13	-1,39	-1,65	-1,03	-1,15	1,09	1,16	-1,13	-1,17	1,05	1,25	1,42	1,45	1,27	1,44	2,08	1,10	-1,13	1,22
215894_at	prostaglandin D2 receptor (DP)	PTGDR	-1,10	-1,09	-1,45	-1,16	-1,20	-1,93	-1,59	-1,89	-1,64	-1,12	-1,08	-1,17	-1,05	-1,11	1,06	-1,03	-1,10	-1,45	-1,12	-1,23	-1,14	-1,04	-1,26	-1,57
201108_s_at	Thrombospondin 1	THBS1	-1,68	-1,56	-1,72	1,10	-2,20	-2,43	-1,36	-1,75	-2,22	-1,00	-1,70	-2,50	1,26	-1,28	1,29	-1,23	-1,37	-1,71	-1,22	-1,20	-1,21	-1,14	-1,35	-2,48
235086_at	Thrombospondin 1	THBS1	-1,12	-1,10	-2,08	1,21	-2,65	-4,33	-1,12	-1,62	-1,49	1,03	-2,05	-2,86	1,12	-1,29	-1,33	-1,04	-1,25	-2,57	-1,13	-1,07	-1,51	-1,26	-1,78	-3,27
206978_at	chemokine (C-C motif) receptor 2 (CCR-2)	CCR2	1,06	1,13	-1,02	1,42	1,39	2,88	-1,28	-1,35	-1,08	1,34	1,47	1,73	-1,03	-1,18	-1,24	1,11	1,32	2,16	-1,25	-1,30	-1,28	1,13	1,36	2,76
223454_at	chemokine (C-X-C motif) ligand 16	CXCL16	-1,31	-1,29	-1,58	1,26	-1,11	-1,44	-1,17	-1,26	-1,32	-1,06	-1,52	-1,68	-1,03	1,07	1,07	-1,21	-1,16	-1,42	1,01	-1,21	-1,19	-1,33	-1,10	-1,57
219519_s_at	sialic acid binding Ig-like lectin 1, sialoadhesin	SIGLEC1	0,86	1,22	1,26	-1,47	-1,27	-1,21	1,75	1,55	2,09	-1,69	-1,48	-1,31	0,73	0,66	0,80	-1,16	-1,29	-1,64	-0,79	0,82	-0,79	-1,16	-1,10	-1,65
218566_s_at	cysteine and histidine-rich domain (CHORD)-containing 1	CHORDC1	1,71	1,83	1,99	1,02	1,10	1,40	1,28	1,65	1,14	1,10	1,31	1,44	1,18	1,17	1,18	-1,03	1,23	1,56	1,45	1,70	1,72	-1,00	1,31	1,61
215071_s_at	histone cluster 1, H2ac	HIST1H2AC	-1,05	1,03	1,06	1,08	1,58	2,07	-1,06	1,05	1,22	1,09	1,37	1,81	-1,04	1,05	1,27	1,06	1,36	2,12	-1,00	1,16	1,22	1,02	1,26	1,88
209911_x_at	histone cluster 1, H2bd	HIST1H2BD	1,15	1,22	1,56	-1,09	1,31	1,84	-1,02	1,19	1,05	1,18	1,46	2,21	1,22	1,17	1,50	-1,10	1,02	1,92	-1,05	1,10	1,20	1,21	1,19	2,03
214472_at	histone cluster 1, H3d	HIST1H3D	1,87	2,11	2,86	-1,03	1,96	2,12	1,31	1,46	1,26	1,31	1,89	2,63	1,34	1,29	1,99	1,13	1,11	1,72	1,08	1,76	1,77	1,21	-1,01	1,48

Farbig markiert: FC > 1.5; FC < -1.5. Fett umrandet: signifikant regulierte Gene.
Gene mit mehr als einem Probeset auf dem Array, die signifikant reguliert sind, sind grau markiert.